

ポスター発表一覧

(学) は学生ポスター賞審査対象

P-1 ミヤコグサ根微生物群集に関連する植物遺伝子座の探索

○番場 大1, Turgut Y. Akyol2, Johan Quilbe2, Stig U Andersen2, 佐藤 修正1
1東北大・院・生命, 2オーフス大・分子遺伝生物

P-2 サクラエビおよびタカアシガニのゲノム解析

○齋藤禎一1、後藤康丞1、倉石祐2、木南竜平2,3、野田浩之2,3、岡本一利1,2、島貫郁1、峯田克彦5、五條堀孝1,6
1一般財団法人マリンオープンイノベーション機構、2静岡県水産・海洋技術研究所、3近畿大学水産研究所、4静岡県漁業高等学園、5早稲田大学、6King Abdullah University of Science and Technology

P-3 ヤスデ類で見られるミューラー型擬態環への参加、離脱、移行

○田辺 カ1、本間 淳2、曾田貞滋3、持田浩治4、Paul E. Marek 5
1熊本大学大学院先端科学研究部、2琉球大学農学部、3京都大学大学院理学研究科、4長崎総合科学大学総合情報学部、5Virginia Tech

P-4 静岡県産イワシ3種の全ゲノム解析と集団解析による地域特性の解明

○後藤康丞1、倉石祐2、木南竜平2,3、野田浩之2,4、岡本一利1,2、島貫郁1、峯田克彦5、五條堀孝1,6、齋藤禎一1
1一般財団法人マリンオープンイノベーション機構、2静岡県水産・海洋技術研究所、3近畿大学水産研究所、4静岡県漁業高等学園、5早稲田大学、6King Abdullah University of Science and Technology

P-5 ナミアゲハにおける嗅覚受容体遺伝子の多様性およびその進化

○大田竜也1、山上初音2、志賀向子2、木下充代1
1総合研究大学院大学・先端科学研究科、2大阪大学・理学研究科

P-6 静岡県産キンメダイのゲノム決定と応用に向けた解析

○倉石祐1、木南竜平2、野田浩之3、岡本一利4、後藤康丞5、島貫郁5、峯田克彦5、五條堀孝5、齋藤禎一5
1静岡県水産・海洋技術研究所、2静岡県水産・海洋技術研究所（現：近畿大学水産研究所）、3静岡県水産・海洋技術研究所（現：静岡県漁業高等学園）、4静岡県水産・海洋技術研究所（現：一般財団法人マリンオープンイノベーション機構）、5一般財団法人マリンオープンイノベーション機構

P-7 哺乳類の複雑な臼歯形態を作る要因は何か：古典的学説の再検討

○浅原正和、原野智広
愛知学院大学教養部生物学教室

P-8 哺乳類における異物代謝に関わるグルクロン酸抱合酵素 (UGT) 遺伝子の進化と食性の関わり

○川合佑典1、中山翔太2 3、池の中良徳2、久保田彰1、石塚真由美2
1 帯広畜産大学大学 獣医学研究部門、2 北海道大学大学院獣医学研究院、3 ザンビア大学獣医学部

P-9 ロブスター心臓解析による心房非依存的哺乳類心臓進化解明

○花島章、木元弥咲、伊原魁、大平桃子、白居優、橋本謙、毛利聡
川崎医科大学生理学1教室

P-10 ササコナフキツノアブラムシ *Ceratovacuna japonica* を用いた真社会性及び複合共生系の進化研究

○重信秀治1,2、頼本隼汰1,2、Chen-yo Chung1,3、服部充4、近藤真紀1
1基礎生物学研究所、2総合研究大学院大学、3台湾大学、4長崎大学

P-11 両生類特異的なTRPA1選択的スプライシングバリエントの起源と機能的な進化過程

○齋藤 くれあ1,2、富永真琴1,2,3、齋藤 茂1,2,3、
1生理研・細胞生理、2生命創成探究センター・温度生物学、3総研大・生理科学

P-12 *Colocasia esculenta* (taro) is polyphyletic: implications for evolution and taxonomy

○P. J. Matthews¹, M. A. Hossain², D. Sookchaloem³, V. D. Nguyen⁴, S.-Y. Wong⁵, J. Jyloerica⁵, E. Tabuchi¹ and I. Ahmed^{1,6}

¹National Museum of Ethnology, Japan. ²Bangladesh Agricultural University, Bangladesh. ³Kasetsart University, Thailand. ⁴National Institute of Ecology & Biological Resources & Graduate University of Science and Technology, Vietnam. ⁵Universiti Malaysia Sarawak, Malaysia. ⁶Alpha Genomics Ltd, Pakistan.

P-13 平板動物のGPCRの解析によるオプシンの起源の探求

高橋 直樹¹、寺北 明久^{1,2,3}、○小柳光正^{1,2,3}

¹大阪市立大学 大学院理学研究科、²大阪公立大学 大学院理学研究科、³大阪公立大学 OCARINA

P-14 集団遺伝学のモデル菌類としてのスエヒロタケのゲノム解析

○松前ひろみ¹、坂本美佳²、小木曾映里³、須藤恵美⁴、クリュコフ・キリル²、望月孝子²、谷澤靖洋²、今西規^{1,4}、豊田敦⁵、中村保一²、亀井克彦⁶、細矢剛⁷

¹東海大学医学部分子生命科学、²国立遺伝学研究所情報研究系、³国立科学博物館分子生物多様性研究資料センター、⁴東海大学大学院医学研究科、⁵国立遺伝学研究所ゲノム・進化系、⁶千葉大学真菌医学研究センター感染症制御分野、⁷国立科学博物館植物研究部

P-15 マイクロサテライトを用いた野生ヒラメの血縁推定における尤度比のパーミュテーション検定

○大林武¹、安藤大樹²、池田実²

¹東北大学大学院情報科学研究科、²東北大学大学院農学研究科

P-16 遺伝的多様性とエピジェネティック多様性の相互補償性の検証

勝村 啓史

北里大学医学部解剖学

P-17 タツノオトシゴの系統で見つかったトランスポゾン由来と予想される新奇遺伝子

○川口真理¹・川原玲香²・富田憲司³・河野友宏²・金子豊二³・安増茂樹¹

¹上智大・理工・物質生命、²東農大・生物資源ゲノム、³東大・農

P-18 非協力者と関係を打ち切る行動は協力者と非協力者のどちらにとってより有益だろうか

黒川瞬

北陸先端科学技術大学院大学

P-19 アゲハチョウ属のメスに限られたベイツ型擬態を制御するスーパーゼーンの機能と進化

○古俣慎也¹、依田真一²、梶谷嶺³、篠崎颯太¹、藤原晴彦¹

¹東大、²基生研、³東工大

P-20 シンビオディニウム属渦鞭毛藻類にみるイントロン獲得・増加のメカニズム

○矢崎 裕規、Jeffrey Fawcett

理化学研究所 数理創造プログラム

P-21 海洋細菌の比較ゲノムから明らかにする相互排他的な遺伝子ペアが生じるメカニズム

○富永 賢人¹、西村 祐貴¹、大前 公保¹、岩崎 渉¹

¹東京大学・大学院新領域創成科学研究科

P-22 ショウジョウバエの集団行動に関わるゲノム基盤の解明

○佐藤大気^{1, 2}、高橋佑磨²

¹藤田医科大学・医科研、²千葉大・院・理

P-23 アノールトカゲの遺伝子発現の温度順化の進化と転移因子によるHSEの拡大との関連

○金森駿介 (1)、河田雅圭 (1)

(1) 東北大学大学院生命科学研究科

P-24 進化学と障害学に見られる対立と親和性

○西山久美子^{1,2}、水島希³

¹総研大・統合進化科学研究センター、²東海大・医、³叡啓大・ソーシャルシステムデザイン

P-25 巻貝の貝殻プロテオミクス：右巻・左巻比較解析

○石川彰人¹、清水啓介²、浅見崇比呂³、遠藤一佳¹

1 東京大学大学院理学系研究科、2 東京大学大学院・農学系研究科、3 信州大学・理学部

P-26 細菌の薬剤耐性空間上の進化軌跡を自動フィードバック制御する

○芝井厚（理研BDR）、古澤力（理研・東大）

P-27 タリーモンスターは脊椎動物ではない

○三上 智之¹、池田 貴史²、村宮 悠介³、平沢 達矢⁴、岩崎 渉⁵

1：国立科学博物館地学研究部、2：東京大学大学院理学系研究科生物科学専攻、3：深田地質研究所、4：東京大学大学院理学系研究科地球惑星科学専攻、5：東京大学大学院新領域創成科学研究科先端生命科学専攻

P-28 ヘテロシスによるクローン表現型分散の減少

大窪 健児

総合研究大学院大学

P-29 ヒト腸内メタトランスクリプトームから検出されたRNAウイルス

○杉本竜太¹ 西村瑠花^{1,2} 井ノ上逸朗¹

1国立遺伝学研究所 人類遺伝研究室、2総合研究大学院大学 遺伝学専攻

P-30 シン・近隣結合法：PANJEP法が問い直す系統解析の常識

○松井求、岩崎渉

東京大学大学院新領域創成科学研究科

P-31 (学) 単細胞ホロゾアのNotch様遺伝子:細胞接触感知メカニズムの起源 Capsaspora Notch like gene reveal – The origin of cell-cell contact sensing

田中颯真

県立広島大学 総合学術研究科 生命システム科学専攻

P-32 (学) Farris系統樹で発生する長枝誘引

○仲田昇平（静岡大学大学院 総合科学技術研究科農学専攻）、渡邊知輝（岐阜大・院連農）、堀池徳祐（静岡大・農）

P-33 (学) 大腸菌の高温適応進化におけるGroELの機能変化

外山 弘恵

東邦大学大学院理学研究科生物分子科学専攻岸本研究室

P-34 (学) 鳥類足部筋の相同性

○久保孝太¹、平沢達矢²、小林快次³

1北大理、2東大理、3北大博

P-35 (学) 頭蓋骨形態と系統情報から導く曲鼻猿類の進化プロセス

○豊田直人、西村剛²

1京都大学ヒト行動進化研究センター生物科学専攻 系統発生分科、2京都大学ヒト行動進化研究センター

P-36 (学) 異なる条件での in vitro 進化実験の比較による集団の存続条件の探索

○湯川香東¹、吉山友明²、水内良^{3,4}、市橋伯一^{1,3,5}

1東大・総合文化、2阪大・院情報、3東大・先進科学、4JSTさきがけ、5東大・生物普遍性研究機構

P-37 (学) ショウジョウバエの生殖休眠の地域系統差に時計遺伝子は関与しているのか？

○藤近敬子¹、高橋文^{1,2}

1都立大・院理・生命 2都立大・生命情報セ

P-38 (学) オウトウショウジョウバエとその近縁種間の異なる交尾姿勢に関わる雄の前脚形態進化の遺伝基盤の解明

○山本廉太¹、高橋文^{1,2}

1都立大・院理・生命、2都立大・生命情報研究センター

P-39 (学) 気孔をもたないコケ植物ゼニゴケにおける気孔形成関連遺伝子の機能解析

○守屋健太¹, 白川一², Jeanne Loue-Manifel^{3,4}, 松田頼子⁵, 田村謙太郎⁶, 岡義人¹, 松下智直¹, 西村いくこ⁷, Gwyneth Ingram³, 西浜竜一^{5,8}, Justin Goodrich⁴, 河内孝之⁵, 嶋田知生¹
¹京大・院理, ²NAIST, ³ENS de Lyon, ⁴Edinburgh Univ., ⁵京大・院生命, ⁶静岡県立大・食品栄養, ⁷甲南大・理工, ⁸東京理科大・理工

P-40 (学) 東アフリカ産シクリッドにおける肥大化した唇の分子実態解明

○待井長敏¹, 畑島諒¹, 中村遥奈¹, 丹羽達也^{1,2}, 長澤竜樹¹, 二階堂雅人¹
¹: 東京工業大学 生命理工学院
²: 東京工業大学 科学技術創成研究院

P-41 (学) コウモリにおける超音波発射能力獲得の進化史—成獣の解剖と胚発生の比較から—

○山本 知希¹, 臼井 郁², 土岐田 昌和¹
¹東邦大・理・生物, ²東邦大・院理・生物

P-42 (学) SARS-CoV-2とコウモリコロナウイルスにおけるFurin cleavage siteの解析

○藤田滋, 伊東潤平, 佐藤 佳
東京大学 医科学研究所 感染・免疫部門 システムウイルス学分野

P-43 (学) 日本のコウゾ属の分類と渡来経路の解明

○吉村茜¹, 深沢知加子¹, 坂本勇², 北村皆雄³, 本橋令子¹
¹静岡大学大学院, ²東京修復保存センター, ³ヴィジュアルフォークロア

P-44 (学) クワガタムシ科におけるtransformer遺伝子の解析

○大津樹 (静岡大・生物), 山内花音 (静岡大・生物), 後藤寛貴 (静岡大・総科, 静岡大・生物)

P-45 (学) EPuCov: a phylogeny-free evolutionary probability method for testing neutrality at amino acid and nucleotide sites

○Yujia Cai ¹, Koichiro Tamura ^{1,2}
¹ Department of Biological Sciences, Tokyo Metropolitan University
² Research Center for Genomics and Bioinformatics, Tokyo Metropolitan University

P-46 (学) サトイモの渡来経路の解明

○斉藤惟奈¹, 長田直樹², 篠村菜月¹, Wiluk Chacuttayapong¹, 深沢知加子¹, 小西達夫³, 藤井浩¹, 大村三男¹, 本橋令子¹
¹静岡大学大学院, ²北海道大学大学院情報科学研究科, ³進化生物学研究所

P-47 (学) 植生スペシャリストは種分化しやすいか？

○西口智也¹, 三上智之², 岩崎渉¹
¹: 東京大学 大学院新領域創成科学研究科 先端生命科学専攻, ²: 国立科学博物館 地学研究部

P-48 (学) Demography inference to understand behavioural divergence in a migratory songbird blackcap

○Jun Ishigohoka(Max Planck Institute for Evolutionary Biology)
Miriam Liedvogel (Max Planck Institute for Evolutionary Biology, Plön, Germany, The Institute of Avian Research, Wilhelmshaven, Germany)

P-49 (学) 遺伝子変換を考慮したY染色体の劣化ダイナミクス

○坂本貴洋, 印南秀樹
総研大先導研

P-50 (学) The Comprehensive Analysis of Structural Variant (SV) Profile in Mycobacterium tuberculosis (MTB) Genome and Their Association with Patient/Pathogen Phenotypes

○Wittawin Worakitchanon¹, Hideki Yanai², Pundharika Piboonsiri^{1,4}, Boonchai Chaiyasirinroje³, Nuanjan Wichukchinda⁴, Yosuke Omae⁵, Prasit Palittapongarnpim^{6,7}, Katsushi Tokunaga⁵, Surakameth Mahasirimongkol⁴ and Akihiro Fujimoto¹

1Department of Human genetics, School of International Health, Graduate School of Medicine, The University of Tokyo, Tokyo, Japan

2Fukujiji Hospital and Research Institute of Tuberculosis (RIT), Tokyo, Japan

3TB/HIV Research Foundation (THRF), Chiangrai, Thailand

4Medical Genetics Center, Medical Life Sciences Institute, Department of Medical Sciences, Ministry of Public Health, Nonthaburi, Thailand

5Genome Medical Science Project, National Center for Global Health and Medicine, Tokyo, Japan

6Center for Microbial Genomics, Department of Microbiology, Faculty of Science, Mahidol University, Bangkok, Thailand

7National Science and Technology Development Agency, Pathumthani, Thailand

Department of Human Genetics, School of International Health, Graduate School of Medicine, The University of Tokyo

P-51 (学) cis制御領域におけるSmadの結合配列の獲得が新しい遺伝子発現のパターンを生み出した

○柄澤 匠(北海道大・院環境科学院)、齊藤奈美歩(北海道大・理学部)・越川滋行(北海道大・院環境科学院, 北海道大・院地球環境科学研究院)

P-52 (学) 魚類に見られる鼻管の適応的意義と平行進化に関する研究

○伊藤隆晃1、西浦賀乃子1、木村優希1、中牟田信明2、長澤竜樹1、二階堂雅人1
1東京工業大学 生命理工学院、2岩手大学 農学部

P-53 (学) 海洋進出を果たしたウミガメの鰭状四肢形成

○佐藤大夢、土岐田昌和
東邦大学 理学研究科 生物学専攻

P-54 (学) 日本列島古代人のゲノムデータを用いた古代微生物解析

○西村瑠佳1,2、杉本竜太2、神澤秀明3、篠田謙一3、井ノ上逸朗1,2
1総合研究大学院大学 生命科学研究所 遺伝学専攻、2国立遺伝学研究所 人類遺伝研究室、3国立科学博物館 人類研究部 人類史研究グループ

P-55 (学) 転写因子DMRT1のドメイン進化:ordered vs disordered domains

○石川直樹1、林舜2、藤谷和子3、岡野即仁2、須田皓介2、奥山ほか2、田村啓1, 2、高松信彦1, 2、伊藤道彦1, 2、伊藤道彦1
1北里大学・理・分子生物、2北里大学・院理、3北里大学・医

P-56 (学) ヒグマはどのように分散し、定着したか?—全ゲノム解析によるユーラシア内陸部と島嶼のヒグマの移動史—

○遠藤優1、長田直樹1、間野勉2、Alexei V. Abramov3、増田隆一1
1北海道大学、2北海道立総合研究機構、3Zoological Institute, Russian Academy of Science

P-57 (学) イネにおけるファイトアレキシン生合成遺伝子の進化

○假谷佳祐1、吉川貴徳2、寺石政義2、上野琴巳3、石原亨3
1鳥大院連農、2京大院農、3鳥大農

P-58 (学) 魚類における体表の化学感覚の探索

○桐ヶ窪寛、佐久間敦文、長澤竜樹、二階堂雅人
東京工業大学生命理工学院

P-59 (学) アカショウジョウバエ自然集団の低温耐性獲得に伴うゲノムの経年変化

○上岡瑠奈1、小川佳孝1、田村浩一郎1,2
1都立大・院理・生命科学、2都立大・生命情報センター

P-60 (学) 海産キクイムシ属における多糖類分解酵素の解析

○杉田 智哉1、吉野 広軌2、朝川 毅守3
1千葉大学大学院 融合理工学府、2自然環境研究センター、3千葉大学理学研究院

P-61 (学) RNAの構造ゆらぎと進化の可能性との関係の探索

○前田祐太郎（東京大学大学院総合文化研究科）、水内良（東京大学大学院先進科学研究機構、JST PRESTO）、重信秀治（基礎生物学研究所）、芝井厚（理化学研究所）、小谷葉月（理化学研究所）、古澤力（生物普遍性研究機構、理化学研究所）、市橋伯一（東京大学大学院総合文化研究科、東京大学大学院先進科学研究機構、生物普遍性研究機構）

P-62 (学) ハリネズミの針形成に関する進化発生的起源の解明

○黒瀬成美¹、田中亮輔¹、小林汐織¹、重谷安代²、岡部正隆²、長澤竜樹¹、二階堂雅人¹
1東京工業大学 生命理工学院, 2 東京慈恵会医科大学

P-63 (学) アノールトカゲの温度適応進化に関わるゲノム内保存・加速領域の検出

○坂本美久 (1), 金森駿介 (1), Luis M. Díaz (2), Antonio Cádiz (3), 石井悠 (1), 中山卓郎 (4), 山口勝司 (5), 重信秀治 (5), 河田雅圭 (1)
1東北大学, 2Mus. Nat. Hist. of Cuba, (3) Habana Univ., (4) 筑波大学, (5) 基礎生物学研究所

P-64 (学) 人為選択系統を用いたアカショウジョウバエの低温耐性と代謝の関連解析

○井手翼¹、田村珠雲¹、田村浩一郎^{1,2}
1都立大・院理・生命科学, 2都立大・生命情報センター

P-65 (学) 細胞間連絡の起源：単細胞ホロゾアの受容体型チロシンキナーゼの活性

○日野礼仁¹、白岩和沙²、重見開生²、菅裕²
1県立広島大学 総合学術研究科, 2県立広島大学 生物資源科学部

P-66 (学) シクリッドにおけるV1R遺伝子の種間比較解析

○滝隼輔¹、二階堂雅人¹
1東工大・生命理工

P-67 (学) 卵泥棒・マタンビハンターのボトルネックと進化史

○今本南¹、中村遥奈¹、相原光人¹、伊藤武彦¹、二階堂雅人¹
1東工大・生命理工学院

P-68 (学) ヤマトシロアリの化学受容器で発現するリポカリン遺伝子における機能解明の試み

○小林 あんじ¹、花田 拓巳¹、矢口 甫²、前川 清人³
1富山大・院・理工, 2関西学院大・理工, 3富山大・学術・理

P-69 (学) グッピーの色彩装飾形質の進化：Csf1シグナル経路がオレンジスポットと免疫応答に与える影響

○川本麻祐子・石井悠・河田雅圭
東北大学

P-70 (学) 両生類及び肉鱗類ハイギョに特異的なミオシン重鎖遺伝子クラスターの分子進化

○加藤優斗¹、宮坂拓実¹、金子大輝²、横山悠里²、福井彰雅³、伊藤道彦^{1,2}、高松信彦^{1,2}、田村啓^{1,2}
1北里大学・院理, 2北里大学・理・分子生物, 3中央大学・理工学部

P-71 (学) 真骨魚類の対ビレにおけるShh遺伝子の機能分化とそこから生じる形態進化の可能性

○田中祥貴¹、安齋賢¹、阿部玄武²、田村宏治¹
1東北大・生命科学研究科, 2鳥取大・医学部生命科学科

P-72 (学) 細胞接着の起源—単細胞ホロゾアのラミニン様遺伝子の機能解明

○傳保 聖太郎、小野あおい、福原光海、菅裕
県立広島大学 総合学術研究科生命システム科学専攻

P-73 (学) オウトウショウジョウバエにおける雄生殖器surstylusの機能及び遺伝的基盤の解明

○熊谷颯之¹、酒井杏花¹、藤近敬子¹、田中健太郎¹、上村佳孝²、高橋文^{1,3}
1都立大・院理・生命科学, 2慶応大・生物, 3都立大・生命情報研究センター

P-74 (学) Buchnerは正しかった！カツオゾウムシ類の共生細菌の再発見

○水野陽太^{1,2}、森山実²、深津武馬^{1,2}
1：東京大学大学院理学系研究科生物科学専攻, 2：国立研究開発法人産業技術総合研究所

P-75 (学) Genomic divergence of *Drosophila albomicans* in Japan via migration from Taiwan

○Sultan Lulecioglu¹, Yoshitaka Ogawa¹, Koichiro Tamura^{1,2}

¹Dept. Biol. Sci., Tokyo Metropolitan Univ., ²RCGB, Tokyo Metropolitan Univ.

P-76 (学) マルチプルライメント法が長枝誘引の発生に及ぼす影響の解明

○渡邊知輝¹, 堀池徳祐²

¹岐阜大院・連農、²静岡大・農

P-77 (学) ヴィクトリア湖産シクリッドにおけるcollagen 6a6遺伝子の機能解析

○久保田和樹¹、中村遥奈¹、長澤竜樹¹、二階堂雅人¹

¹東京工業大学生命理工学院

P-78 (学) ジェネラリスト微生物進化の環境解析とその経済学的考察

○伊東眞琴²、岩崎渉^{1,2}

¹東京大学大学院新領域創成科学研究科先端生命科学専攻、²東京大学大学院新領域創成科学研究科メディカル情報生命専攻

P-79 (学) 東京大学柏キャンパス内の井水に生息する多様なCPRの宿主を予測する

○中川祐奈¹、西村祐貴¹、大前公保¹、富永賢人¹、増田幸子²、柴田ありさ²、白須賢²、岩崎渉¹

¹)東京大学大学院新領域創成科学研究科先端生命科学専攻、²)理化学研究所環境資源科学研究センター

P-80 (学) 単孔類ハリモグラのゲノムにみられるレトロウイルスの活発な内在化

○北尾晃一¹、早川卓志²、宮沢孝幸¹、中川草³

¹京都大学 医生物学研究所、²北海道大学 地球環境科学研究院、³東海大学 医学部

P-81 (学) ヒト進化を駆動したヒト特異的重複遺伝子の網羅的探索

○中野陽介¹、鈴木郁夫^{1,2}、榎本和生^{1,3,4}

¹東京大学大学院理学系研究科生物科学専攻、²AMED-PRIME ³東京大学ニューロインテリジェンス国際研究機構 ⁴AMED-CREST

P-82 (学) Hox遺伝子Labialの新機能 -カラムシ腸内共生細菌の消化・吸収制御-

○大石紗友美^{1,2}、森山実²、水谷雅希²、深津武馬^{1,2}

¹東京大学・院理・生物科学、²産総研・生物プロセス

P-83 (学) ニワトリの家畜化に関わる遺伝基盤の探索

○山田 洋平¹、山崎 のぞみ²、松本 悠貴³、大矢 康成⁴、東浦 裕紀²、野崎 ののこ²、後藤 達彦⁵、都築 政起⁶、新村 毅¹

¹東京農工大・農、²東京農工大・院農、³アニコム先進医療研究所株式会社・麻布大、⁴三重畜試、⁵帯広畜産大、⁶広島大・生物生産

P-84 (学) 遺伝的変異と非遺伝的変異の多様化パターンの類似性：形態データとトランスクリプトームデータを用いた検証

○斉藤京太（千葉大・院・融）、坪井助仁（ルンド大・理）、高橋佑磨（千葉大・院・理）

P-85 (学) 交雑を伴う多様化は繰り返す：陸産貝類の事例

○石井康人¹、伊藤舜²、亀田勇一³、千葉聡^{2,4}、平野尚浩^{2,4}

¹東北大学 理学部 生物学科、²東北大学 東北アジア研究センター、³国立科学博物館 人類研究部、⁴東北大学 生命科学研究所

P-86 (学) 魚類の鰭における化学感覚受容体遺伝子の発現探索

○西浦賀乃子、長澤竜樹、二階堂雅人

東京工業大学 生命理工学院

P-87 (学) 擬細胞内RNA実験進化で自発的に生じた遺伝情報と機能の分離

○寺田 海舟¹、荏原 基力¹、井川 善也^{1,2}、松村 茂祥^{1,2}

P-88 (学) Bac2Feature : 系統情報を利用した微生物の形質推定パイプライン

○藤吉 真生¹、鈴木 誉保¹、松井 求¹、岩崎 渉¹

¹東京大学大学院新領域創成科学研究科先端生命科学専攻

P-89 (学) アカシヨウジョウバエにおける生殖細胞とその発生に対する低温の効果

○田村珠雲¹、井手翼¹、田村浩一郎^{1,2}

¹都立大・院理・生命科学、²都立大・生命情報センター

P-90 (学) Evolution of gene expression for cold acclimation in *Drosophila albomicans*

○Shikha Singh¹, Tomohiko Kimura¹, Masafumi Nozawa^{1,2}, Koichiro Tamura^{1,2}

¹Dept. Biol. Sci., Tokyo Metropolitan Univ., ²RCEB, Tokyo Metropolitan Univ.

P-91 (学) ホストレース間における寄主植物に依存しない同系交配

○高野翔子¹、大島一正²

¹京都府大・院生命環境、²京都府大・院生命環境、京都府大・新自然史科学創生センター、京都府立植物園

P-92 (学) 新奇性追求の遺伝基盤とその進化的意義の解明に向けた取り組み

○木村文昭³、笠原麗美¹、太田博樹²、小川元之^{1,3}、竹内秀明⁴、勝村啓史^{1,3}

¹北里大学医学部、²東京大学大学院理学系研究科、³北里大学大学院医療系研究科、⁴東北大学大学院生命科学研究科

P-93 (学) Transcriptomic comparative analysis of queen bees during lifestyle transition

○Yuhang Jia (1), Takashi Makino (1)

¹ Graduate School of Life Sciences, Tohoku University

P-94 画像解析と数理モデルによる造礁サンゴのコロニー形成の研究

○鎌本直也、藤本仰一

大阪大学理学研究科生物科学専攻

P-95 脊椎動物のDNAバーコーディングに適した核DNA領域の探索

○矢野大智¹、橋口康之²、熊澤慶伯¹

¹名市大・院理、²大阪医薬大・医